

IP-27

Evaluación de las coberturas de vacunación antigripal y antineumocócica de residentes en un centro sociosanitario del área VII del Principado de Asturias

R. Arias Martino¹, A. González Rodríguez¹, M.C. Villa Álvarez¹, P. Martínez Lindo², J. Vázquez Rojo¹, M. Fernández Prada¹

¹ Hospital Vital Álvarez Buylla, Mieres, Asturias, España

² Centro de Salud Cabañaquinta, Área Sanitaria VII, Cabañaquinta, Asturias, España

Objetivo: Evaluar la cobertura de vacunación antineumocócica y antigripal para la campaña 2018-2019. Conocer si existe asociación entre las coberturas de vacunación y los antecedentes personales.

Material y métodos: Estudio descriptivo, transversal, realizado entre marzo y abril de 2019 sobre los institucionalizados a fecha de enero de 2019 en una de las residencias de mayor capacidad del Área Sanitaria VII. Se evaluó si los sujetos habían recibido la vacuna antigripal en la campaña 2018-2019 y la vacunación antineumocócica (conjugada 13v [VNC13] y polisacárida 23v [VNP23]), así como los antecedentes personales y el grado de dependencia. Se utilizó como fuente de información la base de datos de la residencia, así como el registro de vacunación de atención primaria. La investigación fue aprobada por el Comité de Ética autonómico (Ref. 85/19). Se utilizó el SPSS Statistics v.20. Se aplicaron los estadísticos ji cuadrado y U de Mann-Whitney para el análisis bivariante.

Resultados: Se evaluaron un total de 137 institucionalizados (62,8% mujeres; media de edad, 80,58 años). El antecedente personal más frecuente fue la cardiopatía (46,7%). Las coberturas de vacunación fueron: gripe 75,2%; VNC13 40,1%, VNP23 43,8%; VNC13 + VNP23 24,1%, y gripe + VNC13 + VNP23 21,2%. Se observaron diferencias estadísticamente significativas en la vacunación de los pacientes con cardiopatía (VNC13 $p=0,028$; VNP23 $p=0,016$, y VNC13 + VNP23 $p=0,025$) y también según el grado de dependencia para VNP23 ($p=0,022$).

Discusión/Conclusiones: La cobertura de vacunación antigripal y antineumocócica (pauta secuencial) es similar a la descrita por otros autores en el mismo contexto. La cardiopatía y la dependencia se asocian a mayores coberturas para la vacunación antineumocócica.

Palabras clave: Gripe; Neumococo; Centro sociosanitario

<https://doi.org/10.1016/j.vacun.2019.08.032>



IP-31

Método de determinación de serotipos incluidos en la vacuna neumocócica PCV-13

M.D. Cima Cabal¹, M.M. García Suárez¹, I. González Rodríguez², F. Vázquez³, E. Santiago⁴

¹ Universidad Internacional de La Rioja, Logroño, España

² Instituto de Productos Lácteos de Asturias, Villaviciosa, Asturias, España

³ Servicio de Microbiología, Hospital Universitario Central de Asturias, Oviedo, España

⁴ Departamento de Biología Funcional, Universidad de Oviedo, Oviedo, España

Objetivo: Utilizar el método de PCR-RFLP para el tipado molecular de los serotipos incluidos en la vacuna PCV-13.

Material y métodos: Se utilizó la base de datos Rebase con 139 enzimas de restricción tipo II y 115 secuencias de ADN de los genes capsulares obtenidas de GenBank. Se desarrolló un programa informático para la combinación de las dos bases de datos con el objetivo de predecir *in silico* los fragmentos para cada serotipo utilizando una o más enzimas de restricción.

Resultados: Dos enzimas de restricción (Sse9I, AluI) proporcionaron las mayores diferencias entre los diferentes patrones de bandas de los serotipos en estudio. El PCR-RFLP simulado con Sse9I predijo patrones únicos para los serotipos: 1, 3, 4, 5, 6A, 6B, 14, 19A, 19F y 23F. Algunos serotipos comparaban patrones con otros serotipos del mismo serogrupo: 7A/7F, 9A/9V/9F, 18B/18C, que se resolvieron con una segunda enzima de restricción.

Discusión/Conclusiones: El presente estudio ha demostrado que el método PCR-RFLP utilizado con los genes capsulares puede ser una herramienta útil para el tipado molecular de los serotipos incluidos en la vacuna neumocócica PCV-13.

Palabras clave: Vacuna; Neumococo; Endonucleasas

<https://doi.org/10.1016/j.vacun.2019.08.033>

IP-33

Vacunación a grupos de riesgo: servicios derivantes y vacunas recomendadas

M. Hernández Pereña, A. Alonso Jaquete, E. Liaño Fernández, T. Valle Madrazo, I. Torrijos Rodríguez, M. Fabo Navarro

Hospital Universitario Marqués de Valdecilla, Santander, España

Objetivo: Analizar cuántas vacunas se han recomendado en nuestra consulta de vacunas desde que está integrada en la historia clínica electrónica.

Material y métodos: Estudio transversal en el que se analizaron, a partir de la base de datos de historia clínica electrónica, el número y el tipo de vacunas recomendadas en función del servicio derivante.

