

Determinación de la actividad paraoxonasa y su relación con el polimorfismo 192

M. Benavente, R. Rubio y E. Viturro

Unidad de Lípidos. Fundación Jiménez Díaz. Madrid.

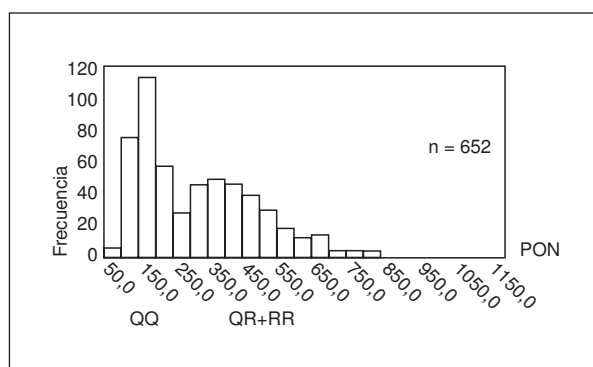


Figura 1.

Figura 2.

La paraoxonasa es una enzima asociada a las lipoproteínas de alta densidad (HDL) que contribuye a inhibir la oxidación de las lipoproteínas de baja densidad (LDL), teniendo, por tanto, función antiaterogénica. Se han relacionado los valores bajos de actividad de esta enzima con el infarto de miocardio, la hipercolesterolemia familiar y la diabetes mellitus.

El polimorfismo 192 del gen de la paraoxonasa origina dos formas alélicas responsables de su acti-

vidad: el alelo Q, asociado a baja actividad, y el alelo R, asociado a alta actividad. La combinación de estos dos alelos da lugar a tres genotipos: QQ asociado a valores de baja actividad (por debajo de 200 U/l), QR y RR asociados a actividades medias-altas (por encima de 200 U/l) (fig. 1), originando en la población una distribución bimodal (fig. 2).