

la mayoría de casos. Con el fin de establecer un método de diagnóstico menos invasivo se está adelantando la búsqueda de proteínas presentes en plasma que puedan servir como biomarcadores de la enfermedad mediante abordajes proteómicos.

Objetivo: Establecer una metodología experimental que permita la obtención y comparación de proteomas de muestras de plasma de pacientes con cáncer colorrectal y de controles mediante la implementación de electroforesis bidimensional.

Materiales y métodos: Se trabajó con muestras de plasma de pacientes con cáncer colorrectal incidente *in situ*, invasivos proximales e invasivos distales en comparación con controles ($n = 3$ para cada grupo). Se evaluaron dos sistemas de pretratamiento de la muestra, uno basado en la depleción de proteínas abundantes conocido como Proteoprep® (Sigma-Aldrich) y un sistema de enriquecimiento de proteínas de baja abundancia llamado Proteominer™ (Bio-Rad). Las muestras se trataron con agentes precipitantes para la separación de proteínas y finalmente se sometieron a isoelectro-enfoque y electroforesis denaturante. La detección de proteínas se realizó por tinción con azul de coomassie coloidal. Los geles se documentaron con el sistema VersaDoc (Bio-Rad). Las imágenes se analizaron usando el programa Melanie 7.0 con el fin de efectuar la clasificación de los spots de acuerdo a sus niveles de expresión entre los grupos de estudio.

Resultados: Para el pretratamiento de las muestras se escogió el sistema Proteoprep®, que permitió la visualización de un mayor número de spots en comparación con las muestras sin tratar y a su vez admite una comparación no sesgada entre los grupos de estudio. Se estableció el método del ácido tricloroacético como el más apropiado para la precipitación de proteínas debido a que permite un procesamiento mínimo de las muestras con una tasa de recuperación alta. Siguiendo la metodología optimizada se obtuvieron los perfiles de expresión proteica de las 12 muestras de interés cumpliendo los parámetros requeridos para el análisis estadístico de las imágenes y la identificación de los spots con expresión diferencial.

Conclusiones: Se estableció una metodología para el procesamiento de muestras de plasma orientada a la obtención de perfiles de expresión proteica por electroforesis bidimensional para la identificación de spots con expresión diferencial entre grupos.

CARACTERÍSTICAS DEL SEGUIMIENTO A USUARIAS CON REPORTE DE LESIONES INTRAEPITELIALES EN LA CITOLOGÍA CERVICOUTERINA EN LA EMPRESA SOCIAL DEL ESTADO E.S.E. CALI 2011

Nhora Lucia Arias Quijano, Sandra Carolina Agudelo Herrera, Gina Paola Barco Ocampo, Giselle Díaz Gómez, Jessica Ocampo Rivera

Grupo o dependencia: Programa de Enfermería.

nhoralucia@gmail.com

Introducción: El cáncer cervicouterino es considerado como una prioridad a nivel nacional e internacional por su rápida evolución y altas tasas de incidencia y mortalidad. En Colombia el adecuado seguimiento a las mujeres con anomalías intraepiteliales es uno de los factores que puede influir en el acceso al diagnóstico y tratamiento oportuno de este cáncer y a resultados positivos en términos de curación.

Objetivo: Describir las características del seguimiento en pacientes con reporte de lesiones intraepiteliales en la citología cervi-

couterina en la Empresa Social del Estado E.S.E. de Cali durante el año 2011.

Materiales y métodos: Se realizó un estudio descriptivo de corte transversal cuyo universo fueron todas las mujeres que presentaron reporte de citología con lesión intraepitelial, tomada entre enero y diciembre de 2011 en la entidad. Se utilizó un instrumento diseñado para fines del estudio con el cual se recolectó información de fuentes secundarias institucionales como la historia clínica y el formato de citología cervicouterina.

Resultados: 79% de las mujeres residían en la zona urbana, especialmente en la comuna 18 y 20 del municipio de Cali; la edad de las usuarias osciló entre 13 y 75 años; 75,4% de las mujeres se encontraba afiliada a una Empresa Promotora de Salud del régimen subsidiado. 88,7% de las usuarias se había realizado una citología previa; de ellas 9,8% no tenía información sobre el resultado de la misma; 26 puntos de atención de la E.S.E. Ladera atendieron a las pacientes del estudio y de ellos 69,2% estaban en la zona urbana. Se encontró 69,3% de no cumplimiento de la ruta, entendida esta como la realización de cada una de las actividades incorporadas dentro del proceso de seguimiento establecido por la entidad; 126 pacientes (64,6%) no tuvieron diagnóstico al finalizar el tercer mes, lo cual sugiere la ausencia de procesos estandarizados de seguimiento.

Conclusiones: A partir de los resultados es necesario implementar planes de mejora de las acciones de seguimiento de tamizaje, articulando los diferentes componentes y actores involucrados en el control del cáncer cervicouterino.

GENOTIPIFICACIÓN DE *HELICOBACTER PYLORI* EN INDIVIDUOS DE DOS REGIONES DE COLOMBIA CON RIESGO DE CÁNCER GÁSTRICO OPUESTO

María Mercedes Bravo, Esperanza Trujillo, Andrés Quiroga, Teresa Martínez, Gustavo Hernández

Grupo o dependencia: Grupo de Investigación en Cáncer y Agentes Infecciosos.

mbravo@cancer.gov.co

Introducción: En Colombia se observa un contraste claro y marcado entre infección por *H. pylori* y cáncer gástrico. La prevalencia de infección por *H. pylori* es alta en todo el país, sin embargo en las zonas montañosas de Los Andes las tasas de cáncer gástrico son muy elevadas mientras que en las zonas costeras atlántica y pacífica las tasas son muy bajas. Los genotipos de *H. pylori* *cagA* positivo y *vacA s1* y *m1* se asocian con un mayor riesgo de cáncer gástrico.

Objetivo: El propósito de este estudio fue comparar la distribución de los genotipos de *H. pylori* asociados a virulencia en dos regiones de Colombia con riesgo de cáncer gástrico opuesto: el altiplano cundiboyacense y la costa atlántica.

Materiales y métodos: Se analizaron 598 biopsias gástricas, 418 obtenidas en la zona de alto riesgo (Tunja y Bogotá) y 180 en la zona de bajo riesgo (Barranquilla, Santa Marta y Cartagena). La genotipificación de los genes de virulencia *cagA* y *vacA* regiones *s1* y *m* de *H. pylori* se realizó mediante PCR.

Resultados: No se observó diferencia en la frecuencia de infección por *H. pylori* entre las zonas de bajo y alto riesgo (77,6% vs 77,0% $p = 0,878$). La presencia de *cagA* fue mayor en la zona de bajo riesgo en comparación con la de alto riesgo (69,5% vs 78,7% $p = 0,05$). El alelo *s1* también fue más prevalente en la zona de bajo riesgo, aunque la diferencia no fue significativa (71,8% vs 64,2% $p = 0,159$).