



P-070 - ESTUDIO DESCRIPTIVO DE LOS PRIMEROS 190 CASOS INCORPORADOS AL REGISTRO ESPAÑOL DE DIABETES MONOGÉNICA: 2 AÑOS DE EXPERIENCIA (2019-2021)

M.S. Ruiz de Adana^{a,2,3,9}, A. Blanco Carrasco^{h,9}, J. Gómez-Zumaquero^{b,3,9}, E. Menéndez Torre^{b,5,9}, M. Hernández García^{f,9}, J. Oriola Ambròs^{d,9} y L. Castaño González^{b,7,9}

^aUnidad de Diabetes, Servicio de Endocrinología y Nutrición Hospital Regional Universitario de Málaga. ^bCentro de Investigación Biomédica en Red de Diabetes y Enfermedades Metabólicas Asociadas (CIBERDEM). ^cInstituto de Investigación Biomédica de Málaga (IBIMA). ^dServicio de Endocrinología y Nutrición, Hospital Clínic. ^eServicio de Endocrinología y Nutrición, Hospital Universitario Central de Asturias de Oviedo. ^fServicio de Endocrinología y Nutrición, Hospital Universitari Arnau de Vilanova. ^gInstituto de Investigación sanitaria Biocruces Bizkaia, Hospital Universitario Cruces. ^hHospital Clínic de Barcelona, Institut Clínic de Malalties Digestives i Metabòliques. ⁱGrupo de Diabetes y Genética de la Sociedad Española de Diabetes (SED).

Resumen

Objetivos: Tras 2 años desde la activación (2019) del “Registro Nacional de Diabetes Monogénicas” (RNDM) por la SED presentamos: 1) La descripción de los casos registrados, subtipos más frecuentes, características más relevantes clínicas y de variantes genéticas comunicadas. 2) Aproximaciones para mejorar calidad, cantidad y explotación de registros.

Material y métodos: Estudio multicéntrico transversal descriptivo de los casos de diabetes monogénicas (DMG) incluidos hasta febrero de 2021 en el registro. Las variantes (V) se clasificaron según guías ACMG y finalmente en patogénicas descritas y no descritas.

Resultados: 190 casos (64% mujeres). GCK (49,7%), HNF1A (33%), HNF4A (6%), D. mitocondrial (3,7%), HNF1B (n = 2), AKT2 (n = 2), ABCC8 (n = 1), ALMS1 (n = 1), D. neonatal (n = 7; GCK = 1; KCNJ = 1; ZFP57 = 2; INS = 3) (tabla).

	GCK	HNF1A	HNF4A	Mitocondrial
N (%)	94 (49,7%)	64 (33%)	12 (6%)	7 (3,7%)
Casos índices	31/94 (33%)	18/63 (29%)	3/12 (25%)	4/7 (57%)
Mujer (%)	61(63%)	43(67%)	7/12 (58%)	7/7 (100%)
Debut				

Asintomático	61%	50%	91%	43%
Neonatal	2%	0	0	0
Gestación	8%	4,7%	0	0
Hiperglucemia no ceto	29%	40%	9%	57%
Edad al diagnóstico	23 ± 16	26 ± 11	28 ± 15	34 ± 7
HbA1C diagnóstico	6,1 (n = 25)	6,9 (n = 15)	5,5 (n = 1)	8,1 (n = 2)
IMC diagnóstico	22,9 ± 6	21,33 ± 8,8	24,9 ± 1,6	23 ± 2,6
HbA _{1C} actual	6,2 ± 0,55 (n = 65) 6,6 ± 1,2 (n = 59)		7,5 ± 1,6 (n = 11)	7,5 ± 1,5 (n = 7)
Péptido C actual	1,9 ± 0,9 (n = 21)	1,7 ± 1,3 (n = 28)	1,9 ± 1,4 (n = 7)	2,1 (n = 1)
HTA	11 (12%)	19 (30%)	6 (50%)	1 (14%)
Dislipemia	10 (10%)	14 (22%)	4 (33%)	2 (28,6%)
Tratamiento actual				
Sin tratamiento	43%	10%	8%	0%
Dieta	30%	8%	8%	28,6%
Metformina	12%	32%	42%	57%
Sulfonilureas/Glin	0	19%/26%	17%/8,3%	0%/14%
iDPP4	4%	16%	8,3%	14%
ISGLT2	2,5%	27%	8,3%	14%

AGLP1	1,5%	1,5%	0%	0
Insulina basal	3%	33%	50%	14%
Insulina MDI	3%	17,5%	41,7%	28%
Complicaciones				
Retinopatía	1%	28%	41,6%	0
Nefropatía/SPK/TR	2,1%	17%/5%/1,5%	36,3%/17%	28%
Polineuropatía	0	8%	25%	0
C. isquémica	2%	6,3%	8%	14%
Arteriopatía periférica	0	3%	0	28%
V no descritas	10	9	3	0

Conclusiones: 1) GCK (49,7%), HNF1A (33%) y HNF 4A (6%) son los subtipos de DMG más registrados. 2) Aspectos de mejora del RNDM: a) Variables obligadas: HbA_{1c}, péptido C y autoinmunidad pancreática al debut. b) Variables nuevas: IMC actual y tecnología utilizada (Sanger vs NGS). 3) Necesidad de compartir con grupos internacionales las variantes no descritas y sus fenotipos.