



P-630 - DESARROLLO DE MODELOS PREDICTIVOS DE EXPRESIÓN DE HER-2 EN FUNCIÓN DE FACTORES DE RIESGO CONOCIDOS: ¿UNA NUEVA HERRAMIENTA PARA EL DISEÑO DEL ALGORITMO TERAPÉUTICO?

Martínez Castillo, Isabel; Alcaraz Solano, Ángela; Ávalos Perales, Carmen; Rodríguez Martínez, Ginés; Galindo Fernández, Pedro José; Marín Hernández, Caridad

Hospital Universitario Virgen de la Arrixaca, Murcia.

Resumen

Introducción: El cáncer de mama es el más prevalente en la actualidad. En los últimos años se dirigen muchos esfuerzos a mejorar las alternativas terapéuticas, así como los factores pronósticos. Cada vez se identifican más factores de riesgo relacionados con el desarrollo de lesiones precursoras e incluso malignas en el espectro del cáncer de mama. Además, se identifican más factores de riesgo y su asociación con los distintos patrones moleculares. El conocimiento de los mismos podría ayudar a prevenir determinados espectros moleculares e incluso predecir la mejor o peor respuesta a cada uno de los esquemas terapéuticos con los que contamos.

Objetivos: Evaluar si existen factores de riesgo que se puedan asociar en mayor o menor frecuencia con la expresión del marcador Her-2.

Métodos: Se propone un estudio prospectivo descriptivo de mujeres tratadas de cáncer de mama en un centro de tercer nivel. Se recogen los detalles del estudio de anatomía patológica y se clasifican según el grado de expresividad de HER-2. Se establecen patrones HER-2 positivo, negativo y de expresividad alta o baja. Se realiza un cruce de variables con los factores de riesgo tradicionalmente asociados al cáncer de mama (sobrepeso, antecedentes de lactancia materna, tratamiento hormonal de sustitución...). Se realiza un cruce uni y multivariante en una muestra de 1.141 pacientes.

Resultados: En el análisis estadístico se ponen de manifiesto que factores como la terapia hormonal sustitutiva se relaciona de forma inversa con el grado de expresión Her-2. Además, se ponen de manifiesto otras asociaciones. Aunque no en todas se alcanza la significación estadística.

Conclusiones: El mayor conocimiento del espectro anatomopatológico de las lesiones del cáncer de mama permite predecir con mayor frecuencia las pacientes que se pueden beneficiar de los tratamientos hormonales diana, incluso predecir mejores respuestas a tratamiento sistémico en aras de la cirugía. La identificación de factores de riesgo asociados a determinados patrones moleculares permitiría seleccionar a la población que se puede beneficiar de dichas dianas, así como planificar campañas de prevención que permitan acotar hacia las extirpes con mejor respuesta a tratamiento.