



P-630 - DESARROLLO DE MODELOS PREDICTIVOS DE EXPRESIÓN DE HER-2 EN FUNCIÓN DE FACTORES DE RIESGO CONOCIDOS: ¿UNA NUEVA HERRAMIENTA PARA EL DISEÑO DEL ALGORITMO TERAPÉUTICO?

Martínez Castillo, Isabel; Alcaraz Solano, Ángela; Ávalos Perales, Carmen; Rodríguez Martínez, Ginés; Galindo Fernández, Pedro José; Marín Hernández, Caridad

Hospital Universitario Virgen de la Arrixaca, Murcia.

Resumen

Introducción: El cáncer de mama es el más prevalente en la actualidad. En los últimos años se dirigen muchos esfuerzos a mejorar las alternativas terapéuticas, así como los factores pronósticos. Cada vez se identifican más factores de riesgo relacionados con el desarrollo de lesiones precursoras e incluso malignas en el espectro del cáncer de mama. Además, se identifican más factores de riesgo y su asociación con los distintos patrones moleculares. El conocimiento de los mismos podría ayudar a prevenir determinados espectros moleculares e incluso predecir la mejor o peor respuesta a cada uno de los esquemas terapéuticos con los que contamos.

Objetivos: Evaluar si existen factores de riesgo que se puedan asociar en mayor o menor frecuencia con la expresión del marcador Her-2.

Métodos: Se propone un estudio prospectivo descriptivo de mujeres tratadas de cáncer de mama en un centro de tercer nivel. Se recogen los detalles del estudio de anatomía patológica y se clasifican según el grado de expresividad de HER-2. Se establecen patrones HER-2 positivo, negativo y de expresividad alta o baja. Se realiza un cruce de variables con los factores de riesgo tradicionalmente asociados al cáncer de mama (sobrepeso, antecedentes de lactancia materna, tratamiento hormonal de sustitución...). Se realiza un cruce uni y multivariante en una muestra de 1.141 pacientes.

Resultados: En el análisis estadístico se ponen de manifiesto que factores como la terapia hormonal sustitutiva se relaciona de forma inversa con el grado de expresión Her-2. Además, se ponen de manifiesto otras asociaciones. Aunque no en todas se alcanza la significación estadística.

Conclusiones: El mayor conocimiento del espectro anatomo-patológico de las lesiones del cáncer de mama permite predecir con mayor frecuencia las pacientes que se pueden beneficiar de los tratamientos hormonales diana, incluso predecir mejores respuestas a tratamiento sistémico en aras de la cirugía. La identificación de factores de riesgo asociados a determinados patrones moleculares permitiría seleccionar a la población que se puede beneficiar de dichas dianas, así como planificar campañas de prevención que permitan acotar hacia las extirpaciones con mejor respuesta a tratamiento.