CARDIOCORE. 2018;53(Espec Congr):7

Cardiocore

323/119 - UTILIDAD DEL ANÁLISIS DE LA DEFORMACIÓN MIOCÁRDICA GLOBAL Y REGIONAL POR FEATURE TRACKING PARA EL DIAGNÓSTICO DIFERENCIAL DE DISTINTAS FORMAS DE HIPERTROFIA VENTRICULAR IZQUIERDA

N. Cobo Gómez

Quirónsalud Sagrado Corazón. Sevilla.

Resumen

Introducción y objetivos: El diagnóstico diferencial entre las miocardiopatías con fenotipo hipertrófico puede suponer un reto. El objetivo de nuestro estudio es analizar los parámetros de deformación miocárdica global y regional por feature tracking para ayudar a su diagnóstico.

Material y métodos: Se analizó mediante el software de Tissue Tracking (Qstrain, Medis, Leiden) los parámetros de deformación miocárdica global y regional de 30 pacientes con enfermedad de Anderson Fabry (AF), 20 pacientes con miocardiopatía hipertrófica sarcomérica (MH) y 10 pacientes con amiloidosis cardiaca (AC).

Resultados: Los pacientes con AC presentaron valores de strain global longitudinal, radial y circunferencial significativamente menores que los pacientes con AF y AC. Se observó un gradiente de strain regional base-ápex con valores significativamente mayores en segmentos apicales en pacientes con AC, que no se observó en AF ni MH. El strain radial regional mostró mayor capacidad de discriminación entre los distintos tipos de hipertrofia. Al agrupar los segmentos miocárdicos (< 11 mm, 11-15, > 15 mm), los pacientes con AF Y MH presentaron valores similares de strain para segmentos con espesor normal, mientras que fueron significativamente diferente en los segmentos con espesor intermedio (menor en MH vs AF) estando muy disminuidos en los segmentos de > 15 mm.

Conclusiones: El mayor deterioro de los valores globales de strain y el gradiente base-ápex ayuda al diagnóstico diferencial de AC de otras formas de hipertrofia ventricular izquierda. El análisis de strain radial regional en segmentos con hipertrofia intermedia nos ayuda al diagnóstico diferencial entre AF y MH, siendo útil en los estadios iniciales de estas miocardiopatías.

© 2018 SAC. Publicado por Elsevier España, S.L.U. Todos los derechos reservados.